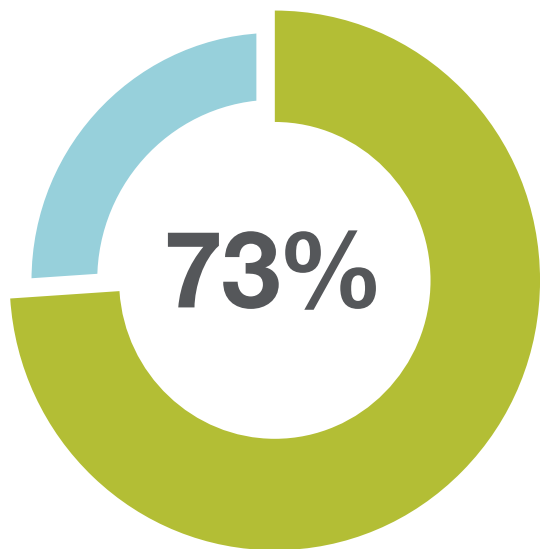


端到端的工作流程，更全面的试剂菜单



基于 NGS 技术的广泛基因组分析

精准肿瘤学发展的基础



73%的在研肿瘤药物都与个性化医疗相关。*

在肿瘤学研究领域，大部分在研药物都属于个性化治疗的药物，因此从研发阶段到临床研究，最终到患者的常规检测，这些药物都与分子检测密切相关。

NGS 实验室检测的时代已经到来



* PMC发布的个性化医疗报告
(个性化医学联盟, 2017年)。

您的实验室可以出具一份清晰的报告

涵盖所有的关键信息



Example
Health System

卫生系统示例
123街道
城市, 省份, 国家000000
电话: +86 000-000-0000
email@examplehealth.com
www.examplehealth.com

样品信息

出生年份:	1968	原发肿瘤部位:	皮肤
性别:	女	样品类型:	新鲜冰冻样品
吸烟情况:	非吸烟者	样品编号:	00-123456789
病例编号:	00-123456789	样品采集日期:	02/01/2018

样品肿瘤类型: 黑色素瘤

报告要点

临床重点靶标	3
可用治疗方案	9
临床试验	55

相关肿瘤基因变异结果

基因	结果
<i>BRAF</i>	<i>BRAF V600E</i>
<i>KIT</i>	未检出
<i>NTRK1</i>	未检出
<i>NTRK2</i>	未检出
<i>NTRK3</i>	未检出

■ 适应症 ■ 禁忌症

临床重点靶标

基因变异	相关治疗方法(针对该肿瘤类型)	相关治疗方法(针对其他肿瘤类型)	临床试验
<i>BRAF V600E</i> B-Raf原癌基因, 丝氨酸/苏氨酸蛋白激酶 分期: IA 等位基因频率: 20.00%	达拉非尼+曲美替尼1,2 达拉非尼1,2 曲美替尼1,2 比尼替尼+恩哥拉尼1,2 西妥昔单抗+威罗菲尼1,2 威罗菲尼1,2 BRAF抑制剂+MEK抑制剂	达拉非尼+曲美替尼1,2 达拉非尼1,2 曲美替尼1,2 西妥昔单抗+威罗菲尼1,2 化疗 帕尼单抗+威罗菲尼+ 化疗 威罗菲尼	55
<i>NF1 R2450*</i> 神经纤维瘤蛋白 1 分期: IIC 等位基因频率: 28.54%	无	伊马替尼	6
<i>PIK3CA R88Q</i> 磷脂酰肌醇-4,5-二磷酸 3-激酶 催化亚基 α 分期: IIC 等位基因频率: 27.15%	无	无	10

© 2020 Thermo Fisher Scientific Inc. 保留所有权利。免责声明: 此处提供的数据结果源于已发布的数据源, 相关信息可能并不详尽。
数据版本为2018.07(000)。

Ion Torrent Oncomine 解决方案

Ion Torrent™ Oncomine™平台为您提供端到端的工作流程：从Ion Chef™系统上的自动化样品制备，到Ion GeneStudio™ S5系统上的测序，以及包含由Ion Torrent™ Oncomine™ Reporter软件生成的报告的完整生物信息学分析解决方案。这套完整的系统是基于临床肿瘤研究所开发和优化的。





具备可扩展性和灵活性的全
自动Ion Torrent™ NGS系统



Ion AmpliSeq™和cfNA
(游离核酸)试剂



OncoPrint™ Reporter软件



广泛的检测菜单，涵盖多种
应用



专业的技术支持



针对临床研究样本的
端对端解决方案



全面的 Oncomine 检测解决方案

涵盖临床肿瘤研究多方面应用

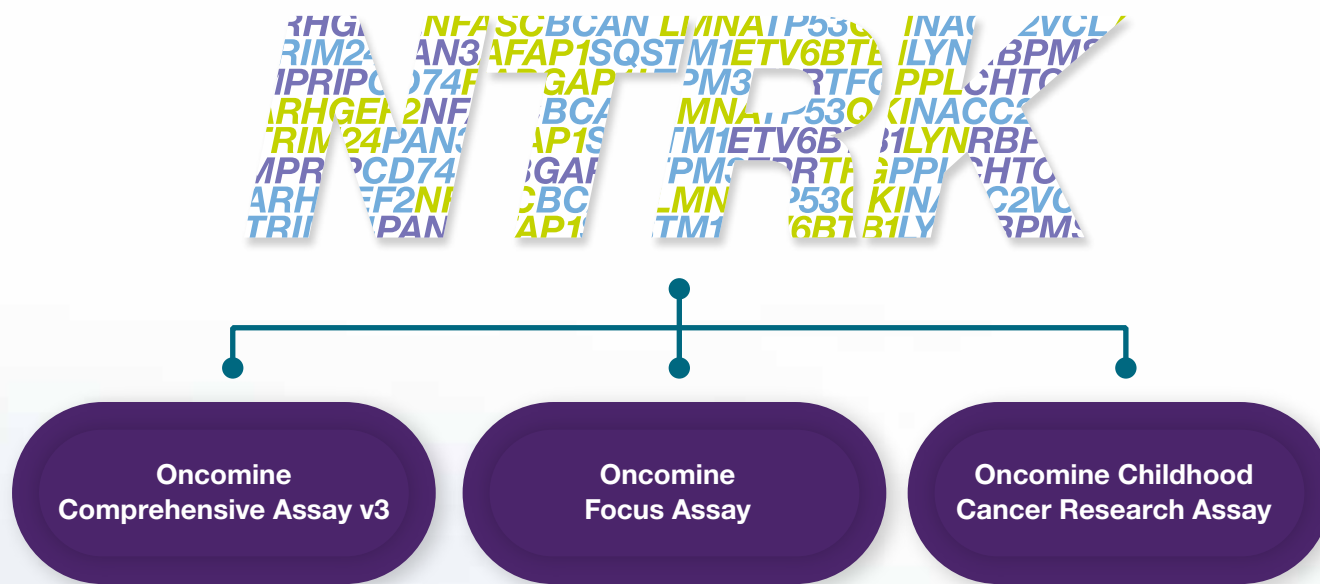


此处提供的内容可能涉及尚未正式发布的产品，如有更改恕不另行通知。
仅供研究使用。不用于诊断流程。



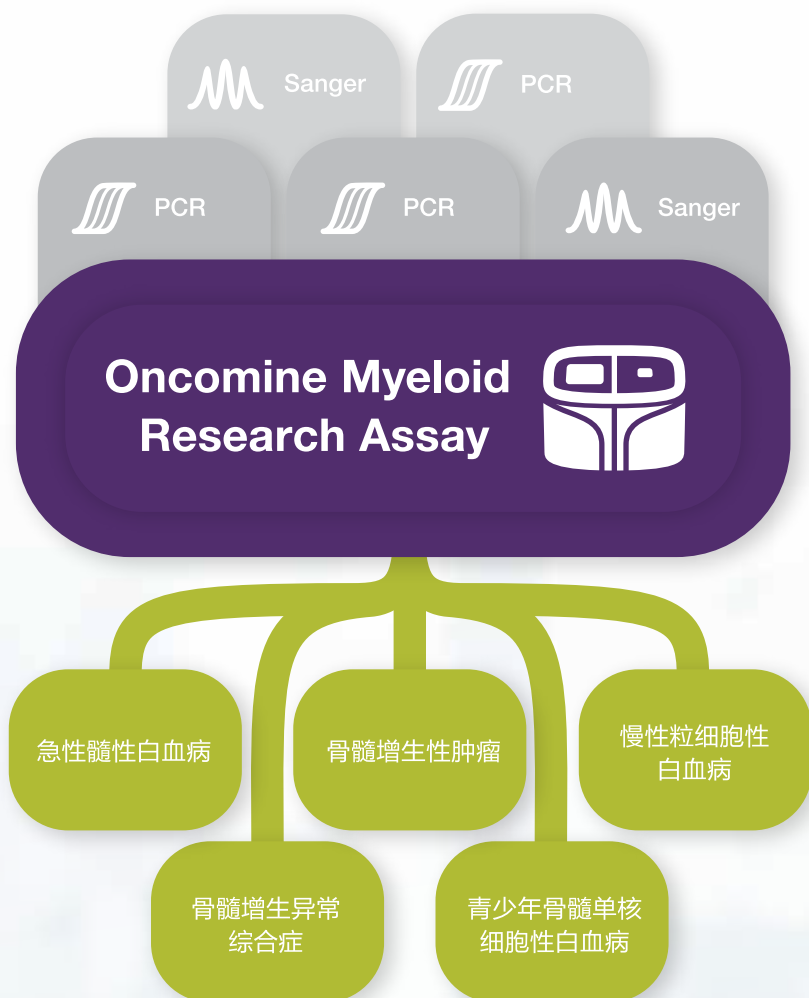
精选靶标设计，简化检测方案

经过缜密设计，涵盖精准肿瘤学研究中的关键靶标



*NTRK*基因融合检测已成为精准肿瘤学研究领域的主要检测需求。基于RNA的新一代测序(NGS)技术是*NTRK*基因融合检测的首选方法。Oncomine检测试剂盒的检测基因是通过缜密设计、整合癌症驱动基因(精准肿瘤学治疗的潜在未来靶标)信息精选而来，因此，可用于检测已知的*NTRK1*，*NTRK2*和*NTRK3*基因融合以及其他重要的癌症驱动基因，例如*EGFR* L858R，T790M和19号外显子缺失；*MET* 14号外显子跳跃突变；*PI3K*等。

整合复杂的分类方案，提供端到端的工作流程

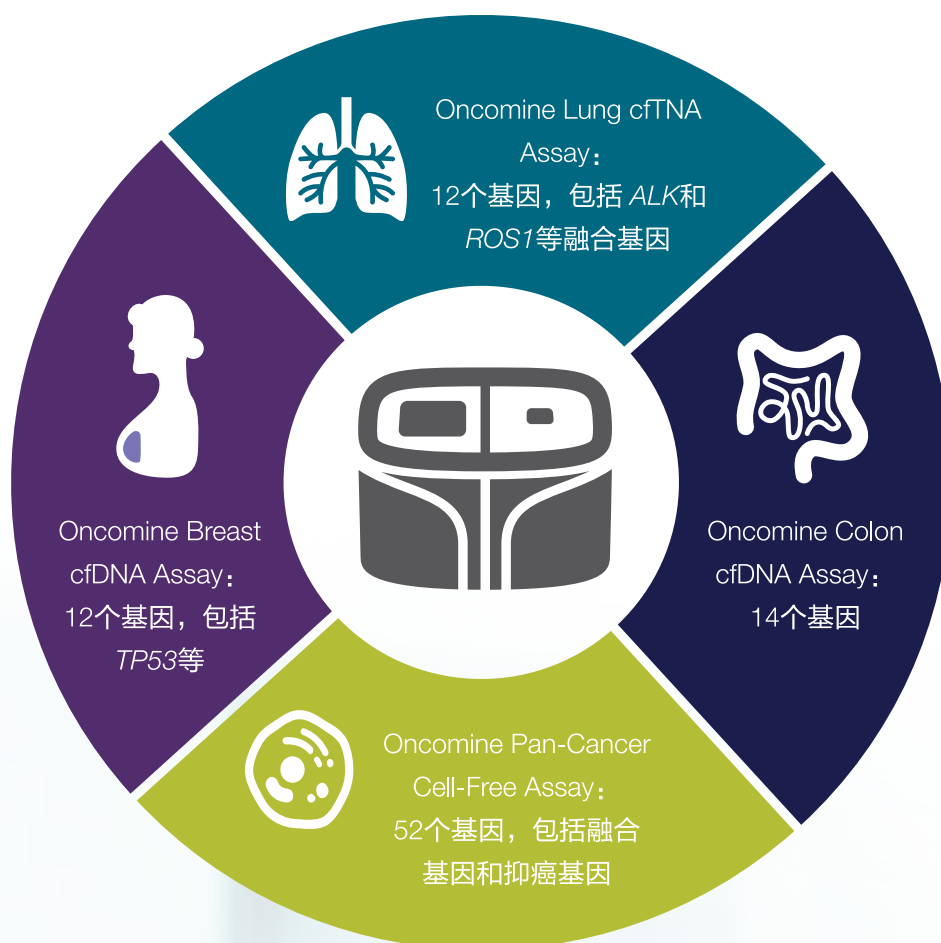


血液系统恶性肿瘤的经典分子检测分析由复杂的单基因靶向分子分类方案组成，分析检测可能受到限制。NGS技术整合并简化了适用于所有标本的通用方案，缩短了周转时间(TAT)，提高了检测率。Ion Torrent™ Oncomine™ Myeloid Research Assay可提供：

- 全面的基因覆盖率，包括单核苷酸变异 (SNV)、插入和缺失(indel)、基因融合、驱动变异和表达
- 简易、自动化的2-3日工作流程，具体时间取决于样品类型
- 简化的端到端信息学解决方案，包含 Oncomine Reporter软件，为您提供清晰、简明且可自定义的报告

持续创新和扩展，精进不休

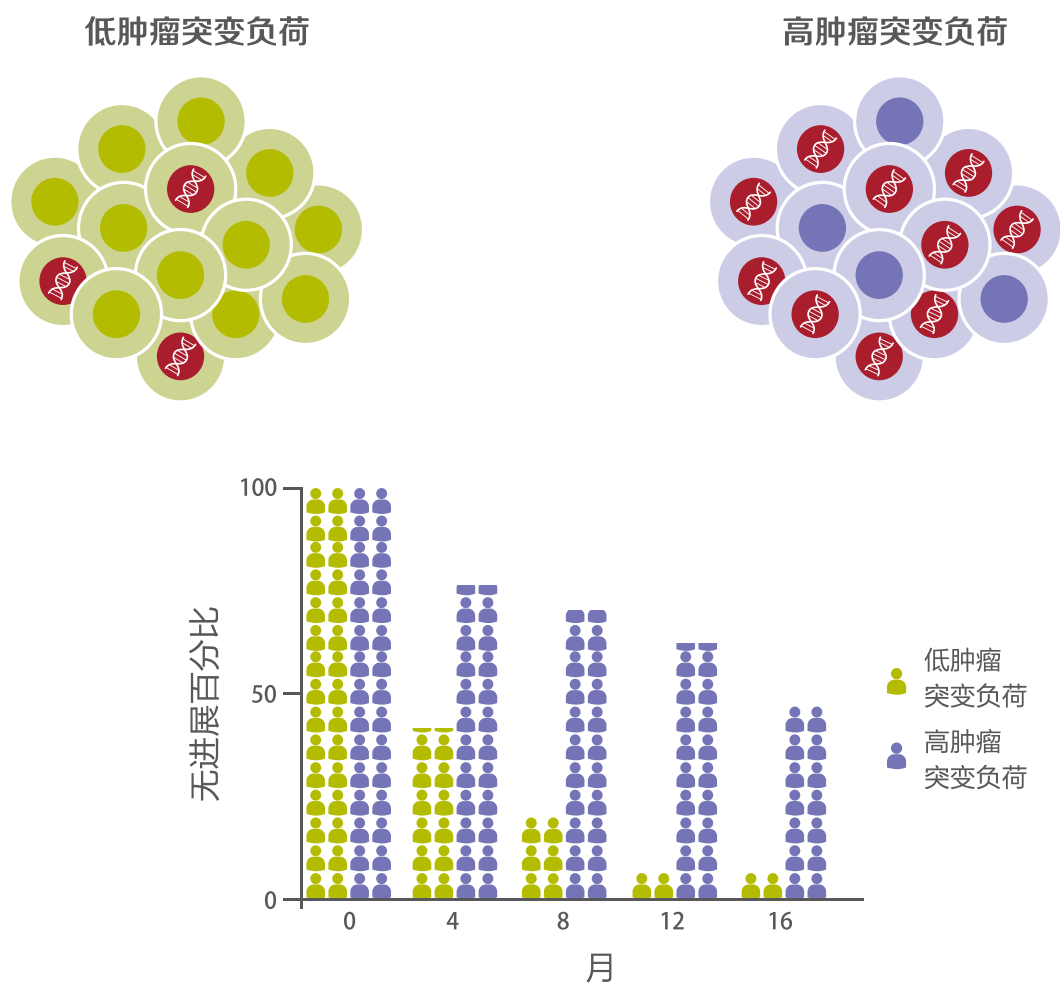
不断拓展的液体活检解决方案



液体活检已成为肿瘤分子谱信息的重要来源。当没有福尔马林固定石蜡包埋(FFPE)组织样品时，液体活检可作为替代检测方法，还可以用于了解肿瘤异质性并跟踪其分子组成、演变，以及检测主要驱动突变和耐药突变。无论您需要检测特定的肿瘤类型，还是关注评估多种肿瘤类型和肿瘤生物标记物的更广范畴，Oncomine游离核酸检测产品系列都可以为您提供可靠的支持。

- **经过优化的检测基因** — 可同时检测SNV、插入/缺失、拷贝数变异(CNV)和融合，以获得多个生物标记物的信息
- **2-3日的工作流程** — 完整的NGS研究工作流程，从血液样品到变异数据
- **灵活的样品起始量** — 只需一管血液即可获得检测结果
- **低检测限** — 低至0.1%的检测下限

免疫肿瘤学



仅需一份样品即可同时评估肿瘤突变负荷和其他标准生物标记物

肿瘤突变负荷(TMB)是一种新兴的生物标记物并迅速得到免疫肿瘤学领域的关注。临床试验证实，TMB越高的患者对免疫检查点抑制剂的应答反应越好。随着越来越多的免疫检查点抑制剂获批，TMB将逐步应用于临床检测。

NGS是检测TMB的最佳技术，Oncomine Tumor Mutation Load Assay / Oncomine Comprehensive Assay Plus仅需一份样品和一个NGS工作流程即可提供变异分析结果，评估TMB和其他生物标记物。

端到端的生物信息学解决方案

Ion Torrent™ Oncomine™信息学工作流程提供了从样品到报告的数据分析解决方案：从多个变异的初始序列分析到相关癌症驱动基因的注释，再到最终的Oncomine Reporter报告。该工作流程创建了精简的解决方案，降低了NGS实验室检测对专业生物信息学知识的要求。

Oncomine信息学工作流程



- 分析序列：** Torrent Suite™软件简化测序操作并创建BAM文件
- 注释和筛选：** Ion Reporter™软件检出变异；确定并注释癌症驱动变异
- Oncomine Reporter将生物标记物关联至已上市药物、指南和临床试验

Oncomine Reporter

- Oncomine Reporter可创建清晰简明的报告
- 包含相关生物标记物数据及其关联的治疗方法、指南以及正在进行并招募中的临床试验信息
- 针对Oncomine检测进行了优化，适用于FFPE组织检测、液体活检、TMB、血液肿瘤学以及细胞遗传学检测等应用

卫生系统示例
123街道
城市，省份，国家000000
电话：+86 000-000-0000
email@examplehealth.com
www.examplehealth.com

样品信息			
出生年份：	1968	原发肿瘤部位：	皮肤
性别：	女	样品类型：	新鲜冰冻样品
吸烟情况：	非吸烟者	样品编号：	00-123456789
病例编号：	00-123456789	样品采集日期：	02/01/2018

样品肿瘤类型：黑色素瘤

报告要点	
临床重点靶标	3
可用治疗方案	9
临床试验	55

相关肿瘤基因变异结果	
基因	结果
BRAF	BRAF V600E
KIT	未检出
NTRK1	未检出

Sample Cancer Type: Melanoma	
Relevant Melanoma Findings	
Gene	Finding
BRAF	BRAF V600E
KIT	Not detected
NTRK1	Not detected
NTRK2	Not detected
NTRK3	Not detected

BRAF V600E	
<p>NCT02928224</p> <p>A Multicenter, Randomized, Open-label, 3-Arm Phase II Study of Encorafenib + Cetuximab Plus or Minus Binimetinib vs. Irinotecan/Cetuximab or Infusional 5-Fluorouracil (5-FU)/Folinic Acid (FA) /Vinorelbine (FOLFIRI)/Cetuximab with a Safety Lead-in of Encorafenib + Binimetinib + Cetuximab in Patients with BRAF V600E mutant Metastatic Colorectal Cancer Binimetinib, Encorafenib And Cetuximab Combined to treat BRAF-mutant Colorectal Cancer (BEACON CRC)</p> <p>Cancer type: Colorectal Cancer</p> <p>Variant class: BRAF V600E mutation</p>	<p>Other identifiers: 16-1527, 1606017995, 16214, 17-124, 2016-0708, 226949 PARCEL, 3C-16-5, Array 818-302, ARRAY-818-302, BEACON, BEACON CRC, COH Protocol Number:16214, CT489, EUCTR2015-005805-35-HJ, EudraCT Number: 2015-005805-35, F16188, IRAS ID: 208339, J16157, NCT-2016-01543, VACCIN1685</p> <p>Population segments: Second line, Stage IV, Third line</p> <p>Phase: II</p> <p>Therapies: binimetinib + cetuximab + encorafenib, cetuximab + encorafenib</p> <p>Locations: Argentina, Australia, Austria, Belgium, Brazil, Canada, Czech Republic, Denmark, France, Germany, Hungary, Israel, Italy, Japan, Mexico, Netherlands, Norway, Poland, Republic of Korea, Russian Federation, Spain, Taiwan, Turkey, Ukraine, United Kingdom, United States</p> <p>US States: AZ, CA, CO, CT, DC, FL, GA, IA, IL, IN, KS, LA, MA, MD, MI, MN, MO, NH, NM, NY, OH, OR, PA, TN, TX, WA, WI</p> <p>US Contact: Array BioPharma [303-381-6504; clinicaltrials@arraybio.com]</p>

自定义报告

您可以对报告的第一页进行自定义，分节显示关键结果、相关生物标记物及变异信息，从而可以快速查看基于肿瘤类型和治疗适应症相关的治疗方法。

您可以在自定义模板中使用Logo、自定义文本，并从11种语言中选取一种所需的语言。

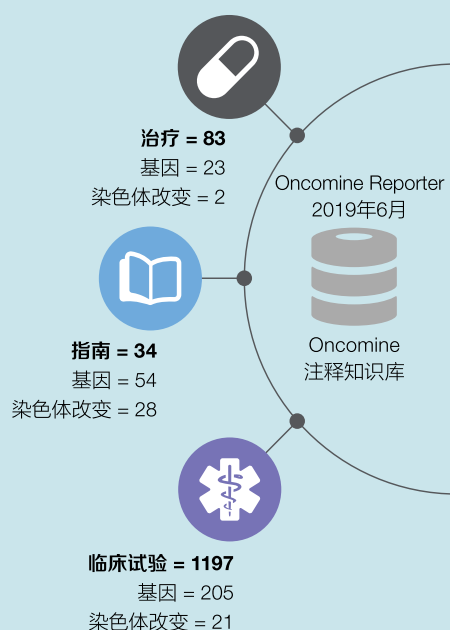
您可以根据需要，使用报告生成器添加和删除各个部分，便捷地生成自定义报告。

获取临床试验信息

OncoPrint Reporter软件整合了来自50多个临床试验注册机构的数千项临床试验数据。您可以按照地区、国家和省市筛选相关的公开临床试验信息并将其添加到报告中。

全球内容标准化

OncoPrint注释知识库数据经过缜密精选，且每季度更新一次。从全球多样化的数据源收集数据后，由一组专业的科学家团队亲自审查所有候选数据，并由两名独立的审查员检查每一项候选数据的背景和标准化情况。该流程的各个阶段都有内置的质量控制步骤。



精简化可扩展的端到端工作流程

适用于每一个实验室

手动操作时间和易用性是每一个实验室关注的重点。无论您使用的是 Ion AmpliSeq™ Panel 还是 OncoPrint Assay, Ion GeneStudio™ S5 系列高通量测序系统及其即插即用型耗材都可为您提供最快速、最简便的靶向NGS检测。结合 Ion Chef™ 系统文库构建和模板制备功能, 真正实现整个工作流程的自动化和精简化。仅需15分钟手动时间来为测序仪设置8样品运行, 即可在4天内获取样品结果。

Ion Chef System



仅需一台 Ion GeneStudio S5 测序仪即可处理不同规格的芯片, 实现不同通量的检测。根据您的需求, 选择适合的芯片。



Ion 510™ 芯片
2-3 M reads
最长读长400 bp



Ion 520™ 芯片
3-6 M reads
最长读长600 bp

Ion GeneStudio S5 Prime System

OncoPrint Reporter



Ion 530™芯片
15-20 M reads
最长读长600 bp



Ion 540™芯片
60-80 M reads
最长读长200 bp



Ion 550™芯片
100-130 M reads
最长读长200 bp

无需采购多台设备、设置多个工作流程来满足所有NGS测试的需求。
Ion GeneStudio S5一机多用，满足您多方需求。

有关OncoPrint解决方案的更多信息，请访问 oncoprint.cn

赛默飞世尔科技

上 海

上海市浦东新区新金桥路27号3,6,7号楼
邮编 201206
电话 021-68654588

成 都

成都市临江西路1号川投大厦1406 室
邮编 610041
电话 028-65545388*5300

南 京

南京市中央路201号金茂广场南楼1103室
邮编 210000
电话 021-68654588*2901

北 京

北京市东城区北三环东路36号环球贸易
中心C座7层/8层
邮编 100013
电话 010-87946888

沈 阳

沈阳市沈河区惠工街10号卓越大厦3109 室
邮编 110013
电话 024-31096388*3901

西 安

西安市高新区科技路38号林凯国际大厦
1006-08单元
邮编 710075
电话 029-84500588*3801

广 州

广州国际生物岛寰宇三路36、38号合景
星辉广场北塔204-206 单元
邮编 510000
电话 020-82401600

武 汉

武汉市高新四路22号58众创光谷产业园A座1楼2~5楼
邮编 430075
电话 027-59744988*5401

欲了解更多信息，请扫描二维码关注我们的微信公众账号与官方网站。

赛默飞世尔科技在全国有共14个商业办公室。本资料中的信息，说明和技术指标如有变更，恕不另行通知。



赛默飞
官方微信



赛默飞
基因科学
官方微信

免费 800 820 8982
服务电话 400 820 8982
www.thermofisher.cn

ThermoFisher
S C I E N T I F I C